

CURSO 2007-2008

INGENIERÍA TÉCNICA INDUSTRIAL - ESP. MECÁNICA

FUNDAMENTOS MATEMÁTICOS DE LA INGENIERÍA

Práctica nº 4: Álgebra vectorial y matricial.

Resolución de sistemas de ecuaciones. Autovalores y autovectores

RESUMEN: *Abordamos en esta práctica el cálculo vectorial y matricial y la resolución de sistemas de ecuaciones lineales. Estudiaremos métodos de resolución basados en el teorema de Rouché-Frobenius y en los métodos directos de MAPLE. Asimismo consideramos métodos directos de MAPLE para el cálculo de autovalores y autovectores.*

COMANDOS MÁS IMPORTANTES: *vector, matrix, evalm, det, rank, eigenvalues, eigenvectors.*

Álgebra vectorial

Casi todas las funciones de Álgebra lineal están en una librería que se llama **linalg** (linear algebra). Si se intenta utilizar alguna función de esta librería sin cargarla previamente, Maple se limita a repetir el nombre de la función sin realizar ningún cálculo. Para cargar dicha librería se teclea el comando siguiente:

```
[ > with(linalg) :
```

Comenzaremos por familiarizarnos con los vectores. Para definir un vector, Maple incorpora el comando **vector**. Su sintaxis es como sigue:

```
[ > v:=vector([1,2,1,-3]) ;
```

```
[ > w:=vector([0,2,-1,4]) ;
```

Para visualizar alguna componente particular de un vector, escribiremos su nombre y entre corchetes la componente que deseamos visualizar. Por ejemplo,

```
[ > v[1]; # muestra la primera componente de v
```

```
[ > w[3]; # muestra la tercera componente de w
```

A continuación calculamos $4w-2v$.

```
[ > evalm(4*w-2*v) ;
```

Álgebra matricial

Como ya sabemos, una matriz de orden $m \times n$ es un conjunto de elementos distribuidos entre m filas y n columnas

$$A=(a_{i,j})=\begin{bmatrix} a_{1,1} & a_{1,2} & \cdots & a_{1,n} \\ a_{2,1} & a_{2,2} & \cdots & a_{2,n} \\ \cdots & \cdots & \cdots & \cdots \\ a_{m,1} & a_{m,2} & \cdots & a_{m,n} \end{bmatrix}$$

Una forma de introducir una matriz de $m \times n$ elementos se hace mediante la sentencia:

A:=matrix([[a_{1,1}, a_{1,2}, ..., a_{1,n}], [a_{2,1}, a_{2,2}, ..., a_{2,n}], ..., [a_{m,1}, a_{m,2}, ..., a_{m,n}]])

Para referirnos a la entrada (i,j) de una matriz **A** lo hacemos con **A[i,j]**.

[> **A:=matrix([[1,2,3], [5,6,7], [1,6,3]]) ;**

El elemento $a_{2,2}$ de la matriz anterior es:

[> **A[2,2]** ;

Una submatriz de una matriz A dada se obtiene suprimiendo algunas filas y/o columnas de ella.

Con MAPLE se pueden extraer submatrices con el comando:

submatrix(A, f₁ .. f_m, c₁ .. c_n);

cuando especificamos las filas comprendidas entre la f_1 y la f_m y las columnas entre la c_1 y la c_n , o sustituyendo alguno de estos rangos por listas de filas o columnas no necesariamente consecutivas:

submatrix(A,[f₁,f₂,...,f_m],[c₁,c₂,...,c_n]);

Dada la matriz:

[> **A:=matrix([[1,5,-3,2,6], [1,4,0,0,-5], [-2,7,8,9,-3], [3,-1,-1,0,-4]]) ;**

La submatriz formada por las tres últimas filas y las tres primeras columnas es:

[> **submatrix(A, 2..4, 1..3)** ;

Y la submatriz formada por las dos filas centrales y las columnas 1, 3 y 5 es:

[> **submatrix(A,2..3, [1,3,5]) ;**

El menor complementario del elemento $a_{i,j}$ de la matriz A es la submatriz obtenida al suprimir la fila i y la columna j de A :

minor(A,i,j);

[> **minor(A,2,3)** ;

El conjunto de matrices de orden $m \times n$ define un espacio vectorial de dimensión $m \cdot n$, en el que está definida la suma y el producto por un escalar. Para ellos utilizamos los operadores clásicos de suma (+) y producto (*) teniendo en cuenta que sólo se pueden sumar matrices de igual dimensión. Podemos realizar cualquier combinación lineal de matrices y lo visualizamos con la orden evalm.

Para multiplicar matrices, el número de columnas de la primera ha de coincidir con el número de filas de la segunda. Dadas dos matrices A y B , su producto se calcula por:

A&*B



Ejercicio: Sean $A = \begin{bmatrix} 1 & 2 & 3 \\ 5 & 6 & 7 \\ 1 & 6 & 3 \end{bmatrix}$, $B = \begin{bmatrix} 1 & -1 & 0 \\ 3 & 2 & 7 \\ 1 & 1 & 4 \end{bmatrix}$, $C = \begin{bmatrix} -1 & 2 & 0 \\ 2 & 3 & 8 \\ 1 & 6 & 2 \end{bmatrix}$ e I la matriz identidad

apropiada. Calcular i) $A+C$, $7B$, $3A-5I$, ii) $(3A-5I)B$, AC , CA

Resolución:

[> **restart**;

```
[ > with(linalg) :
[ > A:=matrix([[1,2,3],[5,6,7],[1,6,3]]);
[ > B:= matrix([[1, -1, 0],[3, 2, 7],[1, 1, 4]]);
[ > C:=matrix([[-1, 2, 0],[2, 3, 8],[1, 6, 2]]);
[ > evalm(A+C);
[ > evalm(7*B);
[ > evalm(3*A-5*diag(1,1,1));
```

¿Cómo interpreta MAPLE la operación A+2?

Otras operaciones sobre matrices son:

transpose(A) calcula la matriz traspuesta de A.
det(A) calcula el determinante de la matriz cuadrada A.
evalm(A^(-1)) o **inverse(A)** calcula la matriz inversa de la matriz regular A.

Recuérdese que una matriz se dice regular si tiene determinante no nulo.

Ejercicio: Calcular el determinante y las inversas de A, C, AC, CA. Comprobar con A que su determinante coincide con el determinante de su traspuesta ¿Ocurre ésto para cualquier matriz?.

Resolución:

```
[ > det(A);
[ > det(C);
[ > det(A&*C);
[ > det(C&*A);
[ > inverse(A);
[ > inverse(C);
[ > inverse(A&*C);
[ > inverse(C&*A);
[ > det(transpose(A));
```

Otra característica de una matriz es su rango, que es el mayor número de filas o de columnas linealmente independientes, y se calcula con

rank(matriz);

Obsérvese que una matriz regular tiene rango máximo. De nuevo el rango de una matriz coincide con el de su traspuesta.

Ejercicio: Calcular el rango de A, B y C y comprobar con B que el rango coincide con el de su traspuesta.

Resolución:

```
[ > rank(A);
[ > rank(B);
[ > rank(C);
[ > transpose(B);
[ > rank(transpose(B));
```

Sistema de ecuaciones lineales.

Un sistema lineal de m ecuaciones y n incógnitas viene dado por

$$a_{1,1}x_1 + a_{1,2}x_2 + \dots + a_{1,n}x_n = b_1$$

$$a_{2,1}x_1 + a_{2,2}x_2 + \dots + a_{2,n}x_n = b_2$$

$$\dots \quad \dots \quad \dots \quad \dots \quad \dots \quad \dots$$

$$a_{m,1}x_1 + a_{m,2}x_2 + \dots + a_{m,n}x_n = b_m$$

donde los $a_{i,j}$ son los coeficientes conocidos, x_j son las incógnitas y los b_j son los términos independientes. Podemos expresar el sistema en forma matricial $A X = b$

$$\begin{bmatrix} a_{1,1} & a_{1,2} & \dots & a_{1,n} \\ a_{2,1} & a_{2,2} & \dots & a_{2,n} \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ a_{m,1} & a_{m,2} & \dots & a_{m,n} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} x_1 \\ x_2 \\ \dots \\ x_n \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} b_1 \\ b_2 \\ \dots \\ b_m \end{bmatrix}$$

La matriz ampliada, matriz que se construye añadiendo a A la columna del vector b de términos independientes, se calcula con la orden

$$\mathbf{AM} := \text{concat}(\mathbf{A}, \mathbf{b})$$

$$AM = \begin{bmatrix} a_{1,1} & a_{1,2} & \dots & a_{1,n} & b_1 \\ a_{2,1} & a_{2,2} & \dots & a_{2,n} & b_2 \\ \dots & \dots & \dots & \dots & \dots \\ a_{m,1} & a_{m,2} & \dots & a_{m,n} & b_m \end{bmatrix}$$

Si A es una matriz no singular entonces podemos calcular su inversa $A^{(-1)}$ y resolvemos el sistema de la forma

$$\mathbf{evalm}(\mathbf{X}) = \mathbf{evalm}(\mathbf{A}^{(-1)} \& \mathbf{b})$$

Si disponemos del sistema también pueden obtenerse la matriz de coeficientes A y la ampliada AM, respectivamente, mediante los comandos:

```
genmatrix([ecu 1,ecu 2,...,ecu m], [incog 1,incog 2,..., incog n]);
```

```
genmatrix( [ecu 1,ecu 2,...,ecu m], [incog 1,incog 2,..., incog n],flag);
```

Teorema de Rouché-Frobenius

El estudio del sistema $AX=b$ se basa en la relación que hay entre el número de ecuaciones y de incógnitas.

El teorema de Rouché-Frobenius nos dice:

1.- $\text{rank}(A) < \text{rank}(AM)$ (sistema incompatible) : No hay solución.

2.- $\text{rank}(A) = \text{rank}(AM) = r$

2.1.- $r = n^\circ \text{ de incógnitas}$ (sistema compatible determinado)

La matriz A es no singular, luego existe $A^{(-1)}$ y la solución del sistema es única y viene dada por $X = A^{(-1)}b$.

2.2.- $r < n^\circ \text{ de incógnitas}$ (sistema compatible indeterminado)

La matriz A es singular, luego no admite inversa. Del sistema tenemos que extraer una submatriz cuadrada de rango r (no singular entonces) pasando incógnitas al segundo miembro. Nos situamos entonces en el caso 2.1.

Ejercicio: Resolver

$$\begin{aligned} 2x + y - z &= 1 \\ x + 2y + z &= 5 \\ 3x + y + 2z &= -1 \end{aligned}$$



Resolución:

```
[ > ecuaciones:=2*x+y-z=1,x+2*y+z=5,3*x+y+2*z=-1;
[ > A:= genmatrix([ecuaciones],[x,y,z]);
[ > X:=matrix([[x],[y],[z]]);# Lo definimos así para obtener
[ un vector columna
[ > b:=matrix([[1],[5],[-1]]);
[ > evalm(A)*evalm(X)=evalm(b);# Método para expresar en forma
[ matricial el sistema
[ > AM:=concat(A,b);# Construcción de la matriz ampliada.
[ > AM:=genmatrix([ecuaciones],[x,y,z],flag); # Otra forma de
[ construir la matriz ampliada.
[ > [rank(A),rank(AM)];# Rangos de A y AM para aplicar.
[ Rouché-Frobenius
Se trata de un sistema compatible determinado con solución única.
[ > evalm(X)=evalm(inverse(A)&*b);
```

Ejercicio: Resolver

$$\begin{aligned} x + 2y + 3z + 3t &= 2 \\ x - y + z &= 0 \\ x + 3y - z + 4t &= -2 \\ 3x + 4y + 3z + 7t &= 0 \end{aligned}$$



Resolución:

Podemos construir las matrices directamente:

```
[ > A:=matrix( [[1,2,3,3],[1,-1,1,0],[1,3,-1,4],[3,4,3,7]] );
[ > b:=matrix([ [2],[0],[-2],[0]] );
[ > AM:=concat(A,b);
[ O directamente a partir del sistema
[ > sistema:=x+2*y+3*z+3*t=2,x-y+z=0,x+3*y-z+4*t=-2,3*x+4*y+3*
[ z+7*t=0;
[ > A:=genmatrix([sistema],[x,y,z,t]);
[ > AM:=genmatrix([sistema],[x,y,z,t],flag);
[ > X:=matrix([ [x],[y],[z],[t]] );
[ evalm(A)*evalm(X)=evalm(b);
[ > [rank(A),rank(AM)];
```

Se trata de un sistema compatible indeterminado. Buscamos un sistema con submatriz de rango 3 e igual número de incógnitas. Elegimos las tres primeras ecuaciones y pasamos la variable t al segundo miembro

```
[ > A1:= submatrix(A,1..3,1..3);
[ > det(%);
```

```
[ Esta submatriz es regular y por tanto contiene las incógnitas principales.
[ > b1:=matrix([[2-2*t],[0],[-2-4*t]]);
[ > X1:=matrix([[x],[y],[z]]); # incógnitas principales
[ > evalm(A1)*evalm(X1)=evalm(b1);
[ > AM1:=concat(A1,b1);
[   [rank(A1),rank(AM1)];
[ > evalm(X1)=evalm(inverse(A1)&b1);
```

Métodos directos de Maple

La orden **solve** de Maple resuelve el sistema directamente

```
solve ({ecu 1,ecu 2,...,ecu n},{incog 1,incog
2,...,incog m});
```

donde el primer argumento son las ecuaciones y el segundo las incógnitas.

Ejercicio: Resolver el sistema

$$\begin{aligned}x - y + z &= 1 \\ 4x + 5y - 5z &= 4 \\ 2x + y - z &= 2 \\ x + 2y - 2z &= 1\end{aligned}$$

Resolución:

Apliquemos primero Rouché-Frobenius:

```
[ > sistema:=x-y+z=1,4*x+5*y-5*z=4,2*x+y-z=2,x+2*y-2*z=1;
[ > A:=genmatrix([sistema],[x,y,z]);
[ > AM:=genmatrix([sistema],[x,y,z],flag);
[ > [rank(A),rank(AM)];
```

Luego se trata de un sistema compatible con infinitas soluciones que me dependen de una incógnita. Resolvamos con el **solve**:

```
[ > solve({sistema},{x,y,z});
```

Diagonalización de matrices

El objetivo de esta sección es la diagonalización de matrices cuadradas. Es decir dada una matriz A, obtener dos matrices D (una matriz diagonal) y P (una matriz de paso) que permitan escribir la matriz A en función de las otras dos en la forma

$$A = PDP^{(-1)}$$

Dicha factorización nos permite calcular rápidamente potencias de A, esto es A^k , con k natural.

Para ello es necesario obtener los autovalores que son los que forman la matriz diagonal y los autovectores que son los que forman la matriz de paso, P.

Cálculo de autovalores y autovectores

Maple implementa comandos que permiten el trabajo fluido con autovalores y autovectores de una matriz cuadrada. Tenemos los siguientes comandos:

eigenvals(A)

Devuelve los autovalores de la matriz A (raíces del polinomio característico $\det(\lambda \text{Id} - A)$)

charpoly(A,variable)

Devuelve el polinomio característico de A en función de la variable dada, cuyo valor es $\det(\text{variable} * \text{Id} - A)$

eigenvects(A)

Devuelve los autovectores de la matriz A. Además este comando nos da, aparte del autovector, el autovalor correspondiente junto a su multiplicidad.

Ejercicio.- Considerar la matriz cuadrada M de orden 2 cuyo elemento de lugar (i,j) viene definido por $a(i,j) = 1/(i^2 + j^2)$. Calcular sus autovalores y autovectores. Hallar el polinomio característico. Calcular sus raíces y comprobar que son los autovalores.

Solución

```
[ > restart:
[ > with(linalg):
[ > M:=matrix([[1/2,1/5],[1/5,1/8]]);
[ > eigenvals(M);
[ > p:=charpoly(M,lambda);
[ > solve(p=0,lambda);
[ > eigenvects(M);
```

Ejercicio.- Se dice que una matriz es definida positiva si todos los autovalores son positivos

(positivo = mayor estricto que cero). Sean $A = \begin{bmatrix} 1 & 3 & -5 & 7 \\ 3 & 2 & 0 & 6 \\ -5 & 0 & 1 & -1 \\ 7 & 6 & -1 & 4 \end{bmatrix}$ y $B = \begin{bmatrix} 2 & 1 & 0 & 0 \\ 1 & 2 & 1 & 0 \\ 0 & 1 & 2 & 1 \\ 0 & 0 & 1 & 2 \end{bmatrix}$. ¿ Es

A definida positiva? ¿ Es B definida positiva?

Solución

```
[ > restart:
[ > with(linalg):
[ > A := matrix([[1, 3, -5, 7], [3, 2, 0, 6], [-5, 0, 1,
[ -1], [7, 6, -1, 4]]);
[ > eigenvalues(A);
[ > evalf(allvalues(%));
[ > B := matrix([[2, 1, 0, 0], [1, 2, 1, 0], [0, 1, 2, 1],
[ 0, 0, 1, 2]]);
[ > eigenvalues(B);
[ > evalf(%);
[ ¿Cuál es la conclusión?
```

Matriz diagonal y matriz de paso

El comando

jordan(A)

devuelve la forma canónica de Jordan, es decir la matriz diagonal, que tiene a los autovalores en la diagonal. Y con el comando

jordan(A,'P')

devuelve la forma canónica de Jordan de la matriz A y la matriz de paso cuyas columnas son los autovalores de A, cumpliéndose que

$$P^{(-1)} A P = D$$

siendo P la matriz de paso, y D la matriz diagonal.

Para poder ver la matriz de paso es necesario añadir el comando

print(P)

Ejemplo: Dada la matriz $A = \begin{bmatrix} 3 & -2 & 4 \\ -2 & -2 & 6 \\ 4 & 6 & -1 \end{bmatrix}$. Calcular los autovalores, autovectores, matriz canónica (o diagonal), matriz de paso y probar el resultado.

Solución

```
[ > A:=matrix([[3, -2, 4], [-2, -2, 6], [4, 6, -1]]);  
  eigenvals(A);  
  eigenvects(A);  
  D1:=jordan(A);  
  jordan(A, 'P');  
  print(P);  
[ > evalm(P&*D1&*P^(-1))=evalm(A);
```

Ejemplo: Dada la matriz $A = \begin{bmatrix} 1 & -1 & 3 \\ -1 & 1 & 2 \\ 1 & 1 & 2 \end{bmatrix}$. Calcular los autovalores, autovectores, matriz canónica (o diagonal), matriz de paso y probar el resultado.

Solución

```
[ > restart;  
[ > with(linalg);  
[ > A:=matrix([[1, -1, 3], [-1, 1, 2], [1, 1, 2]]);  
  eigenvals(A);  
  eigenvects(A);  
  D2:=jordan(A);  
  jordan(A, 'P');  
  print(P);  
[ > evalf(evalm(P&*D2&*P^(-1)))=evalm(A);
```